

Σύντομο βιογραφικό σημείωμα
Τρεμούλης Δημήτριος-Χρήστος, MSc

Προσωπικές πληροφορίες

Όνοματεπώνυμο: Τρεμούλης Δημήτριος-Χρήστος
email: dimtremoulis@pasteur.gr

Εκπαίδευση

Προπτυχιακή εκπαίδευση (BSc)

Πτυχίο Βιολογίας, Τμήμα Βιολογίας, Σχολή Θετικών
Επιστημών, Πανεπιστήμιο Πατρών. Βαθμός πτυχίου:
Άριστα (8.56/10)

Μεταπτυχιακή εκπαίδευση (MSc)

Μεταπτυχιακό Δίπλωμα Ειδίκευσης, Πρόγραμμα
Μεταπτυχιακών Σπουδών «Βιοπληροφορική –
Υπολογιστική Βιολογία», Τμήμα Βιολογίας, Σχολή
Θετικών Επιστημών, Εθνικό και Καποδιστριακό
Πανεπιστήμιο Αθηνών. Βαθμός πτυχίου: Άριστα
(8.71/10)

Διδακτορική διατριβή (PhD)

Υποψήφιος διδάκτορας. Τίτλος: “Transposable elements
in cancer and its microenvironment.”, Ιατρική Σχολή,
Εθνικό και Καποδιστριακό Πανεπιστήμιο Αθηνών

Ξένες Γλώσσες

English C2

Πτυχιακή εργασία με τίτλο «Μελέτη της επίδρασης
της rh-TSH στον πολλαπλασιασμό φυσιολογικών και
καρκινικών κυττάρων θυρεοειδούς που
υπερεκφράζουν τον υποδοχέα της TSH». Επιβλέπων:
Καθηγητής Κατσώρης Παναγιώτης

Διπλωματική εργασία με τίτλο «Βιοπληροφορική
ανάλυση των αλληλεπιδράσεων παθογόνου-ξενιστή
στις ιογενείς λοιμώξεις με βάση τις τεχνολογίες
αλληλούχισης επόμενης γενεάς (NGS - RNAseq)».
Επιβλέπων: Dr Τιμοκράτης Καραμήτρος

Εργαστηριακές τεχνικές

Εκχύλιση νουκλεϊκών οξέων, ενίσχυση PCR, rtPCR,
Ηλεκτροφόρηση αγαρόζης, ηλεκτροφόρηση σε
πήκτωμα πολυακρυλαμιδίου και ανάλυση κατά
Western, μελέτη κυτταρικής επιβίωσης με χρώση
Crystal Violet, infection κυττάρων με λεντι-ιούς

Δεξιότητες βιοπληροφορικής

Γλώσσες προγραμματισμού: R, bash, Python, C, Perl.
Ανάλυση διαφορικής έκφρασης αλληλουχιών από
RNA-seq: QC, φιλτράρισμα και κανονικοποίηση
αναγνώσεων (FASTQC, bbdduk), στοίχιση
αναγνώσεων σε γονιδίωμα (STAR, bowtie2, BWA),
καταμέτρηση αναγώσεων σε γονίδια (htseq-count,
featureCounts), ανάλυση διαφορικής έκφρασης
(DESeq2, edgeR), ανάλυση εμπλουτισμού
(clusterprofiler). Αναλύσεις scRNA-seq: QC,
clustering, χαρακτηρισμός κυτταρικού τύπου,
ανάλυση διαφορικής έκφρασης, trajectory analysis
(Seurat, SingleR, Monocle3)